

Nierziekten

Jong nierfalen, CKD-Y (inclusief PKD1 en PKD2). NB: MUC1 VNTR Cytosine insertie doorgaans niet aantoonbaar.
260

NEF24v23.1

Gennaam	CreV4 (15X)	SSv7 (15X)
LYZ	100.0	100.0
BBS10	100.0	100.0
CEP290	84.8	100.0
POC1B	99.1	100.0
CEP83	89.7	100.0
IFT81	99.3	100.0
TCTN1	97.3	100.0
TCTN2	100.0	100.0
FREM2	100.0	100.0
PIBF1	98.7	100.0
OSGEP	100.0	100.0
SLC7A7	100.0	100.0
FAM179B	99.8	100.0
KIAA0586	99.8	95.5
DACT1	99.2	100.0
SIX1	100.0	100.0
COQ6	100.0	100.0
VIPAS39	100.0	100.0
TTC8	96.0	100.0
AMN	100.0	100.0
INF2	96.5	97.9
FAN1	100.0	100.0
MAPKBP1	100.0	100.0
B2M	100.0	100.0
GATM	100.0	100.0
MYO1E	100.0	100.0
BBS4	100.0	100.0
WDR73	100.0	100.0
VPS33B	100.0	100.0
CACNA1H	98.9	99.9
PKD1	96.9	97.4
TRAP1	99.8	100.0
GLIS2	100.0	100.0
ALG1	99.5	99.9
PMM2	100.0	100.0
EMP2	100.0	100.0
MYH11	100.0	100.0
UMOD	100.0	100.0
SCNN1G	100.0	100.0
SCNN1B	100.0	100.0
KIAA0556	100.0	100.0
ZNF423	100.0	100.0
SALL1	100.0	100.0
RPGRIP1L	96.9	96.4

Gennaam CreV4 (15X) SSv7 (15X)

BBS2	100.0	100.0
NUP93	100.0	100.0
HSD11B2	88.7	99.5
LCAT	100.0	100.0
TMEM231	100.0	100.0
FOXC2	100.0	100.0
APRT	100.0	100.0
CTNS	99.1	100.0
TMEM107	100.0	100.0
B9D1	100.0	100.0
NEK8	100.0	100.0
HNF1B	100.0	100.0
WNK4	100.0	100.0
SLC4A1	100.0	100.0
ITGA3	100.0	100.0
DGKE	99.2	100.0
MKS1	100.0	100.0
ACE	100.0	100.0
NUP85	100.0	100.0
ITGB4	99.2	100.0
ARHGDIA	100.0	100.0
TTR	100.0	100.0
MOCOS	100.0	100.0
C3	100.0	100.0
KANK2	100.0	100.0
SLC7A9	100.0	100.0
NPHS1	100.0	100.0
ACTN4	100.0	100.0
SARS2	100.0	100.0
ADCK4	100.0	100.0
B9D2	100.0	100.0
APOE	99.9	100.0
APOC2	100.0	100.0
SIX5	99.5	100.0
MKKS	100.0	100.0
JAG1	100.0	100.0
KIF3B	100.0	100.0
MAFB	100.0	100.0
TP53RK	100.0	100.0
STX16	100.0	100.0
ITSN1	99.8	100.0
APOL1	100.0	100.0
MYH9	99.7	100.0
IFT27	100.0	100.0
XPNPEP3	100.0	100.0
ATXN10	100.0	100.0
OFD1	99.1	100.0
CLCN5	99.9	100.0
GLA	100.0	100.0
NXF5	99.9	99.9

Gennaam CreV4 (15X) SSv7 (15X)

TBC1D8B	100.0	100.0
COL4A5	99.7	100.0
C1GALT1C1	100.0	100.0
OCRL	98.6	100.0
MAP7D3	94.9	99.9
CEP104	100.0	100.0
NPHP4	100.0	100.0
YRDC	87.3	99.3
ZMPSTE24	100.0	100.0
MMACHC	100.0	100.0
KANK4	100.0	100.0
LRIG2	100.0	100.0
NOTCH2	99.5	100.0
MUC1	96.2	96.2
LMNA	100.0	100.0
KIRREL	99.0	100.0
APOA2	100.0	100.0
NOS1AP	99.8	100.0
PBX1	100.0	100.0
NPHS2	97.1	100.0
CFH	98.4	100.0
CFHR3	84.7	91.9
CFHR1	87.4	86.5
CFHR2	90.8	91.0
CFHR4	92.4	99.5
CFHR5	99.6	100.0
REN	100.0	100.0
DSTYK	100.0	100.0
SLC41A1	100.0	100.0
CD46	100.0	100.0
NUP133	99.6	100.0
AGT	100.0	100.0
MTR	100.0	100.0
SDCCAG8	100.0	100.0
WDR35	99.0	100.0
ITSN2	97.9	100.0
XDH	100.0	100.0
SLC3A1	100.0	100.0
WDPCP	98.8	100.0
ALMS1	99.9	100.0
TPRKB	92.7	100.0
TNXB	95.8	97.0
DAAM2	100.0	100.0
ACTG2	100.0	100.0
NPHP1	96.6	100.0
TTC21B	100.0	100.0
BBS5	100.0	100.0
MTX2	100.0	100.0
TMEM237	100.0	100.0
BMPR2	100.0	100.0

Gennaam CreV4 (15X) SSv7 (15X)

FN1	100.0	100.0
SMARCAL1	100.0	100.0
BCS1L	100.0	100.0
CUL3	100.0	100.0
COL4A4	99.8	99.8
COL4A3	98.7	100.0
ARMC9	100.0	100.0
TRAF3IP1	99.9	100.0
AGXT	100.0	100.0
LZTFL1	93.4	100.0
LAMB2	100.0	100.0
CACNA1D	100.0	100.0
ADAMTS9	99.0	99.9
ROBO2	100.0	100.0
ARL13B	100.0	100.0
ARL6	100.0	100.0
IQCB1	100.0	100.0
SEC61A1	100.0	100.0
NPHP3	98.4	100.0
AGTR1	100.0	100.0
CLCN2	100.0	100.0
DNAJB11	100.0	100.0
IL1RAP	100.0	100.0
SLC2A9	99.8	100.0
CC2D2A	99.8	100.0
WDR19	99.9	100.0
SCARB2	100.0	100.0
FRAS1	100.0	100.0
COQ2	99.6	100.0
PKD2	100.0	100.0
CFI	97.5	100.0
BBS7	99.5	100.0
BBS12	100.0	100.0
NR3C2	100.0	100.0
FGA	99.9	100.0
FAT1	100.0	100.0
MTRR	100.0	100.0
C5orf42	99.0	100.0
KLHL3	100.0	100.0
NR3C1	100.0	100.0
E2F3	97.7	100.0
DCDC2	99.8	100.0
CFB	100.0	100.0
CD2AP	100.0	100.0
PKHD1	100.0	100.0
TBX18	99.9	100.0
PDSS2	99.7	100.0
AHI1	100.0	100.0
RMND1	97.7	100.0
BBS9	99.5	100.0

Gennaam CreV4 (15X) SSv7 (15X)

ANLN	99.8	100.0
MAGI2	95.7	96.3
CEP41	100.0	100.0
PODXL	99.8	93.3
NUP205	100.0	100.0
WDR60	99.6	100.0
DLC1	99.9	100.0
PCM1	99.8	100.0
SOX17	100.0	100.0
CHD7	99.9	100.0
CSPP1	98.3	100.0
EYA1	100.0	100.0
TMEM67	99.6	100.0
C8orf37	100.0	100.0
RRM2B	100.0	100.0
CYP11B1	100.0	100.0
CYP11B2	100.0	100.0
KANK1	100.0	100.0
FREM1	100.0	100.0
IFT74	95.7	100.0
GRHPR	100.0	100.0
CDK20	100.0	100.0
ANKS6	96.7	99.0
INVS	100.0	100.0
TRIM32	100.0	100.0
GSN	99.8	100.0
CRB2	100.0	100.0
GAPVD1	100.0	100.0
LMX1B	100.0	100.0
INPP5E	100.0	100.0
GATA3	100.0	100.0
ITGA8	100.0	100.0
CUBN	100.0	100.0
PDSS1	95.2	96.1
TMEM72	100.0	100.0
SGPL1	100.0	100.0
FAM149B1	100.0	100.0
PLCE1	100.0	100.0
TCTN3	100.0	100.0
HOGA1	100.0	100.0
HPSE2	100.0	100.0
PAX2	100.0	100.0
TRIM8	100.0	100.0
CYP17A1	100.0	100.0
BBIP1	100.0	100.0
CD151	100.0	100.0
WT1	99.9	100.0
NUP160	100.0	100.0
TMEM138	100.0	100.0
TMEM216	100.0	100.0

Gennaam	CreV4 (15X)	SSv7 (15X)
GANAB	100.0	100.0
SLC22A12	99.9	100.0
BBS1	100.0	100.0
TRPC6	96.5	100.0
APOA1	100.0	100.0
CEP164	100.0	100.0
HYLS1	100.0	100.0
KCNJ5	100.0	100.0
WNK1	100.0	100.0
TULP3	100.0	100.0
SCNN1A	100.0	100.0
PTPRO	99.5	100.0
TENC1	100.0	100.0
AVIL	100.0	100.0
GRIP1	100.0	100.0
NUP107	99.9	100.0