

Neuromusculaire ziekten

Breed NMZ panel

429

NEM27v22.1

Gennaam	CreV4 (15X)	SSv7 (15X)
B3GNT1	100.0	100.0
SPTBN2	99.9	100.0
IGHMBP2	100.0	100.0
PHOX2A	100.0	100.0
KCNE3	100.0	100.0
DGAT2	100.0	100.0
MRE11A	100.0	100.0
MTMR2	100.0	100.0
ATM	99.7	100.0
CRYAB	100.0	100.0
DPAGT1	100.0	100.0
KCNJ5	100.0	100.0
WNK1	100.0	100.0
KCNA1	100.0	100.0
VAMP1	99.2	100.0
PYROXD1	97.6	100.0
FGD4	100.0	100.0
YARS2	100.0	100.0
KIF21A	99.3	100.0
CNTN1	100.0	100.0
PFKM	100.0	100.0
HNRNPA1	100.0	100.0
ITGA7	100.0	100.0
ERBB3	100.0	100.0
STAC3	100.0	100.0
MARS	100.0	100.0
KIF5A	100.0	100.0
B4GALNT1	100.0	100.0
TMEM5	99.7	100.0
MYF6	100.0	100.0
ISCU	100.0	100.0
TRPV4	100.0	100.0
MYL2	100.0	100.0
HSPB8	100.0	100.0
COX6A1	100.0	100.0
ORAI1	98.7	100.0
C12orf65	99.5	100.0
PUS1	99.9	100.0
SGCG	100.0	100.0
SACS	100.0	100.0
SPG20	100.0	100.0
EXOSC8	98.2	100.0
SUCLA2	100.0	100.0
FGF14	100.0	100.0

Genmaam CreV4 (15X) SSv7 (15X)

PABPN1	80.7	96.9
MYH7	100.0	100.0
AP4S1	100.0	100.0
CFL2	98.5	100.0
ATL1	100.0	100.0
DDHD1	99.9	100.0
SYNE2	99.8	100.0
ZFYVE26	100.0	100.0
POMT2	100.0	100.0
VIPAS39	100.0	100.0
SPTLC2	100.0	100.0
TDP1	100.0	100.0
CCDC88C	100.0	100.0
FBLN5	100.0	100.0
VRK1	100.0	100.0
WARS	100.0	100.0
DYNC1H1	100.0	100.0
TECPR2	100.0	100.0
INF2	96.5	97.9
ADSSL1	100.0	100.0
NIPA1	99.3	99.6
SLC12A6	100.0	100.0
CAPN3	100.0	100.0
TTBK2	100.0	100.0
SPG11	100.0	100.0
SORD	99.0	98.0
AP4E1	100.0	100.0
TRIP4	100.0	100.0
SPG21	100.0	100.0
KBTBD13	100.0	100.0
MYO9A	100.0	100.0
ETFA	100.0	100.0
POLG	100.0	100.0
STUB1	99.8	100.0
CCDC78	100.0	100.0
LITAF	100.0	100.0
ARL6IP1	95.6	100.0
CLN3	99.2	100.0
ATP2A1	100.0	100.0
BEAN1	100.0	100.0
TK2	100.0	100.0
AARS	100.0	100.0
FA2H	99.6	100.0
KARS	100.0	100.0
GAN	100.0	100.0
SPG7	99.9	100.0
TUBB3	99.8	100.0
INPP5K	100.0	100.0
CHRNE	100.0	100.0
ENO3	100.0	100.0

Gemaam CreV4 (15X) SSv7 (15X)

KIF1C	99.6	100.0
ACADVL	100.0	100.0
CHRNA1	100.0	100.0
MYH8	100.0	100.0
MYH2	100.0	100.0
MYH3	100.0	100.0
PMP22	100.0	100.0
TTC19	100.0	100.0
ALDH3A2	100.0	100.0
KCNJ18	100.0	100.0
TCAP	100.0	100.0
PTRF	100.0	100.0
NAGLU	99.9	100.0
CNTNAP1	100.0	100.0
SGCA	100.0	100.0
CACNA1G	99.9	100.0
PTRH2	100.0	100.0
SCN4A	100.0	100.0
POLG2	97.6	100.0
KCNJ2	100.0	100.0
sep-09	100.0	100.0
GAA	100.0	100.0
SMCHD1	98.0	100.0
AFG3L2	92.9	100.0
TTR	100.0	100.0
CTDP1	99.1	100.0
PIP5K1C	94.7	100.0
EEF2	100.0	100.0
PNPLA6	99.9	100.0
DNMT1	100.0	100.0
DNM2	100.0	100.0
CACNA1A	100.0	100.0
SLC25A42	100.0	100.0
C19orf12	99.9	100.0
MAG	99.6	100.0
RYR1	99.8	99.9
PRX	100.0	100.0
SPTBN4	99.2	100.0
RTN2	100.0	100.0
FKRP	100.0	100.0
GYS1	100.0	100.0
MED25	100.0	100.0
PNKP	100.0	100.0
KCNC3	88.1	94.5
ETFB	100.0	100.0
PRKCG	100.0	100.0
TNNT1	100.0	100.0
RBCK1	100.0	100.0
SLC52A3	100.0	100.0
PDYN	100.0	100.0

Gennaam **CreV4 (15X)** **SSv7 (15X)**

TGM6	100.0	100.0
NOP56	100.0	100.0
SNAP25	100.0	100.0
DPM1	100.0	100.0
KCNE2	100.0	100.0
KCNE1	100.0	100.0
COL6A1	99.9	100.0
COL6A2	100.0	100.0
CHCHD10	95.7	100.0
MYO18B	100.0	100.0
NEFH	100.0	100.0
MORC2	100.0	100.0
LARGE	100.0	100.0
SBF1	99.2	100.0
CHKB	100.0	100.0
ARSA	100.0	100.0
PDK3	100.0	100.0
DMD	99.3	100.0
UBA1	100.0	100.0
AR	99.6	99.9
GJB1	100.0	100.0
AGRN	99.8	100.0
TMEM240	99.9	100.0
PLEKHG5	99.8	100.0
KIF1B	100.0	100.0
MFN2	100.0	100.0
VPS13D	100.0	100.0
ATP13A2	99.9	100.0
PAX7	99.5	100.0
HSPG2	99.4	99.4
SEPN1	90.2	87.8
TRIM63	100.0	100.0
YARS	100.0	100.0
GJB3	100.0	100.0
POMGNT1	100.0	100.0
COA7	100.0	100.0
CPT2	99.7	100.0
PGM1	100.0	100.0
ALG14	100.0	100.0
PHKA1	99.9	100.0
ATP7A	100.0	100.0
PGK1	100.0	100.0
GLA	100.0	100.0
PLP1	100.0	100.0
PRPS1	100.0	100.0
KCNE1L	100.0	100.0
ALG13	99.7	100.0
LAMP2	100.0	100.0
AIFM1	100.0	100.0
FHL1	100.0	100.0

Gennaam CreV4 (15X) SSv7 (15X)

MTM1	100.0	100.0
VMA21	100.0	100.0
ABCD1	98.1	99.8
L1CAM	100.0	100.0
EMD	96.7	100.0
AGL	99.9	100.0
AMPD2	100.0	100.0
KCND3	100.0	100.0
AP4B1	100.0	100.0
NGF	100.0	100.0
ATP1A1	100.0	100.0
GDAP2	99.7	100.0
TPM3	100.0	100.0
FLAD1	100.0	100.0
DPM3	100.0	100.0
MSTO1	97.5	99.9
LMNA	100.0	100.0
NTRK1	100.0	100.0
CASQ1	100.0	100.0
DCAF8	100.0	100.0
MPZ	100.0	100.0
TOR1AIP1	99.8	100.0
CACNA1S	100.0	100.0
SYT2	100.0	100.0
ADCK3	100.0	100.0
GJC2	98.3	99.4
IBA57	99.8	100.0
OBSCN	100.0	100.0
ACTA1	100.0	99.9
B3GALNT2	100.0	100.0
ACTN2	100.0	100.0
KIDINS220	100.0	100.0
LPIN1	100.0	100.0
TRIM54	100.0	99.9
SPAST	100.0	100.0
PREPL	100.0	100.0
GFPT1	100.0	100.0
TIA1	100.0	100.0
APTX	100.0	100.0
UBAP1	99.9	99.9
DYSF	99.9	100.0
DCTN1	100.0	100.0
REEP1	100.0	100.0
SLC5A7	100.0	100.0
BIN1	97.0	100.0
LIMS2	99.8	100.0
NEB	89.9	89.2
CACNB4	100.0	100.0
ACVR1	100.0	100.0
SCN9A	100.0	100.0

Gemaam CreV4 (15X) SSv7 (15X)

KLHL41	100.0	100.0
MLTK	100.0	100.0
CHRNA1	100.0	100.0
HOXD10	100.0	100.0
TTN	99.8	99.9
MSTN	100.0	100.0
HSPD1	100.0	100.0
MARS2	100.0	100.0
ALS2	100.0	100.0
FASTKD2	100.0	100.0
MYL1	100.0	100.0
DNAJB2	100.0	100.0
DES	100.0	100.0
SPEG	99.9	100.0
ECEL1	100.0	100.0
CHRND	100.0	100.0
CHRNA3	100.0	100.0
COL6A3	100.0	100.0
KIF1A	100.0	100.0
ITPR1	100.0	100.0
CAV3	100.0	100.0
ATG7	100.0	100.0
TMEM43	100.0	100.0
COLQ	100.0	100.0
SCN10A	100.0	100.0
SCN11A	99.9	99.9
KLHL40	100.0	100.0
POMGNT2	100.0	100.0
ANO10	99.8	100.0
ABHD5	100.0	100.0
SLC25A20	100.0	100.0
LAMB2	100.0	100.0
DAG1	100.0	100.0
GMPPB	100.0	100.0
LMOD3	99.4	100.0
GBE1	100.0	100.0
TFG	100.0	100.0
POGLUT1	100.0	100.0
RAB7A	100.0	100.0
ACAD9	100.0	100.0
KY	100.0	100.0
GYG1	100.0	100.0
MME	99.1	100.0
SLC33A1	100.0	100.0
GNB4	100.0	100.0
FXR1	100.0	100.0
OPA1	99.1	100.0
DOK7	94.0	99.3
SGCB	94.5	100.0
HNRNPDL	100.0	100.0

Genmaam CreV4 (15X) SSv7 (15X)

GRID2	100.0	100.0
CYP2U1	99.7	100.0
TRPC3	96.5	100.0
TRIM2	100.0	100.0
ETFDH	100.0	100.0
TRAPPC11	99.3	100.0
SLC25A4	100.0	100.0
CCT5	100.0	100.0
FAM134B	98.8	100.0
SLC1A3	100.0	100.0
HSPB3	100.0	100.0
HEXB	98.6	100.0
MEGF10	100.0	100.0
HINT1	100.0	100.0
SLC22A5	100.0	100.0
MYOT	99.8	100.0
SIL1	100.0	100.0
HARS	100.0	100.0
FBXO38	100.0	100.0
SH3TC2	100.0	100.0
SGCD	100.0	100.0
THG1L	100.0	100.0
SQSTM1	100.0	100.0
FARS2	100.0	100.0
TDP2	100.0	100.0
ELOVL5	100.0	100.0
DST	100.0	100.0
COL12A1	99.7	100.0
ELOVL4	100.0	100.0
SNX14	92.3	100.0
HACE1	99.7	100.0
BVES	100.0	100.0
POPDC3	100.0	100.0
FIG4	100.0	100.0
LAMA2	100.0	99.6
PEX7	100.0	100.0
GRM1	100.0	100.0
SYNE1	100.0	100.0
AP5Z1	99.9	100.0
RNF216	100.0	100.0
ISPD	100.0	100.0
HNRNPA2B1	100.0	100.0
GARS	93.1	100.0
PGAM2	100.0	100.0
HSPB1	100.0	100.0
SGCE	100.0	94.6
AP4M1	100.0	100.0
PNPLA8	99.7	100.0
IFRD1	99.4	100.0
FLNC	100.0	100.0

Gemaam CreV4 (15X) SSv7 (15X)

TNPO3	100.0	100.0
CLCN1	100.0	100.0
PRKAG2	97.1	100.0
DNAJB6	100.0	100.0
ARHGEF10	100.0	100.0
VPS37A	99.5	100.0
ASAH1	99.4	100.0
NEFL	100.0	100.0
ERLIN2	100.0	100.0
DDHD2	100.0	100.0
POMK	100.0	100.0
TTPA	99.4	100.0
CYP7B1	99.9	100.0
GDAP1	100.0	100.0
PMP2	100.0	100.0
RRM2B	100.0	100.0
TMEM65	75.7	99.0
KIAA0196	100.0	100.0
NDRG1	100.0	100.0
PLEC	100.0	100.0
SLC52A2	100.0	100.0
KLHL9	100.0	100.0
SIGMAR1	100.0	100.0
VCP	100.0	100.0
TPM2	100.0	100.0
GBA2	100.0	100.0
GNE	100.0	100.0
EXOSC3	100.0	100.0
FXN	94.4	100.0
SPTLC1	100.0	100.0
BICD2	100.0	100.0
ALG2	100.0	100.0
FKTN	100.0	100.0
IKBKAP	100.0	100.0
MUSK	100.0	100.0
TRIM32	100.0	100.0
LRSAM1	100.0	100.0
DPM2	100.0	100.0
GOLGA2	100.0	100.0
GLE1	99.9	100.0
TOR1A	100.0	100.0
PRDM12	91.1	93.3
POMT1	100.0	100.0
SETX	100.0	100.0
SURF1	94.8	99.1
TMEM8C	100.0	100.0
DHTKD1	100.0	100.0
PHYH	98.3	100.0
PTPLA	96.5	100.0
MTPAP	99.9	100.0

Gemmaam	CreV4 (15X)	SSv7 (15X)
CHAT	99.0	100.0
EGR2	100.0	100.0
MYPN	100.0	100.0
HK1	100.0	100.0
COL13A1	100.0	98.7
SGPL1	100.0	100.0
ASCC1	99.9	90.9
MICU1	100.0	100.0
LDB3	99.8	100.0
ALDH18A1	100.0	100.0
ENTPD1	100.0	100.0
ZFYVE27	100.0	100.0
ERLIN1	100.0	100.0
CWF19L1	99.9	100.0
C10orf2	100.0	100.0
NT5C2	99.0	100.0
BAG3	100.0	100.0
EBF3	98.8	100.0
HRAS	100.0	100.0
PNPLA2	100.0	100.0
TNNI2	99.4	100.0
TNNT3	99.2	100.0
STIM1	100.0	100.0
SBF2	100.0	100.0
LDHA	100.0	100.0
ANO5	99.6	100.0
LRP4	100.0	100.0
MYBPC3	100.0	100.0
RAPSN	100.0	100.0
FAM111B	100.0	100.0
BSCL2	100.0	100.0
ATL3	98.9	100.0
PYGM	100.0	100.0
CAPN1	100.0	100.0
SCYL1	100.0	100.0
KLC2	100.0	100.0