

Verstandelijke beperking: syndromaal/niet syndromaal

Verstandelijke beperking

1601

VBE01v23.1

Gennaam	CreV4 (15X)	SSv7 (15X)
TAF13	100.0	100.0
POMGNT2	100.0	100.0
PURA	100.0	100.0
PEX2	100.0	100.0
MARK2	99.9	99.1
UFM1	64.2	100.0
AMPD2	100.0	100.0
SLC6A17	100.0	100.0
KCNA2	100.0	100.0
KCND3	100.0	100.0
AP4B1	100.0	100.0
NRAS	100.0	100.0
CSDE1	100.0	100.0
TSHB	100.0	100.0
ATP1A1	100.0	100.0
WARS2	100.0	100.0
PHGDH	100.0	100.0
PEX11B	100.0	100.0
TARS2	100.0	100.0
PRUNE	100.0	100.0
POGZ	100.0	100.0
SNX27	100.0	100.0
GATAD2B	100.0	100.0
HAX1	100.0	100.0
ADAR	100.0	100.0
KCNN3	100.0	100.0
ASH1L	100.0	100.0
RIT1	100.0	100.0
APOA1BP	100.0	100.0
NTRK1	100.0	100.0
KCNJ10	100.0	100.0
ATP1A2	100.0	100.0
PEX19	100.0	100.0
ABHD5	100.0	100.0
LZTFL1	93.4	100.0
SETD2	99.7	100.0
PTPN23	100.0	100.0
DHX30	100.0	100.0
TREX1	100.0	100.0
P4HTM	99.2	100.0
NDUFAF3	100.0	100.0
QRICH1	100.0	100.0
QARS	100.0	100.0
AMT	100.0	100.0

Gennaam **CreV4 (15X)** **SSv7 (15X)**

DAG1	100.0	100.0
GMPPB	100.0	100.0
TRAIP	100.0	100.0
SLC38A3	100.0	100.0
NPRL2	100.0	100.0
CACNA2D2	96.9	99.8
DOCK3	100.0	100.0
ACY1	100.0	100.0
POC1A	100.0	100.0
GLYCTK	100.0	100.0
BAP1	100.0	100.0
RFT1	100.0	100.0
TKT	97.4	97.4
CACNA1D	100.0	100.0
HESX1	98.6	100.0
PRICKLE2	100.0	100.0
NDUFA2	100.0	100.0
PCDHGC4	100.0	100.0
DIAPH1	99.7	99.0
PCDH12	100.0	100.0
YIPF5	100.0	100.0
CSF1R	100.0	100.0
PDGFRB	100.0	100.0
CAMK2A	100.0	100.0
NDST1	100.0	100.0
GM2A	100.0	100.0
GRIA1	100.0	100.0
GEMIN5	100.0	100.0
CYFIP2	100.0	100.0
THG1L	100.0	100.0
GABRB2	100.0	100.0
GABRA1	100.0	100.0
GABRG2	100.0	93.1
RARS	99.9	100.0
FBXW11	100.0	100.0
NSD1	100.0	100.0
B4GALT7	99.8	100.0
HNRNPAB	95.1	100.0
HNRNPH1	100.0	100.0
TUBB2A	100.0	100.0
TUBB2B	100.0	100.0
FARS2	100.0	100.0
TFAP2A	100.0	100.0
IMPA1	97.6	100.0
CA2	100.0	100.0
NBN	100.0	100.0
OTUD6B	99.9	100.0
TMEM67	99.6	100.0
INTS8	97.7	99.9
PTDSS1	100.0	100.0

Gennaam **CreV4 (15X)** **SSv7 (15X)**

VPS13B	100.0	100.0
RRM2B	100.0	100.0
RIMS2	100.0	100.0
OXR1	100.0	100.0
RAD21	99.9	100.0
TAF2	99.8	100.0
KIAA0196	100.0	100.0
KCNQ3	99.6	100.0
KCNK9	100.0	100.0
TRAPPC9	100.0	100.0
AGO2	98.1	98.1
EEF1D	95.1	100.0
PUF60	100.0	100.0
GPAA1	100.0	100.0
RECQL4	100.0	100.0
SMARCA2	98.0	99.4
VLDLR	100.0	100.0
RFX3	100.0	100.0
GLIS3	100.0	100.0
KIAA1432	100.0	100.0
KCNK4	98.7	100.0
DPF2	100.0	100.0
SCYL1	100.0	100.0
KAT5	100.0	100.0
RNASEH2C	100.0	100.0
FIBP	100.0	100.0
PACS1	94.9	100.0
B3GNT1	100.0	100.0
BBS1	100.0	100.0
SPTBN2	99.9	100.0
PC	100.0	100.0
NDUFV1	100.0	100.0
NDUFS8	100.0	100.0
CHKA	99.1	100.0
SUV420H1	100.0	100.0
DHCR7	100.0	100.0
FOLR1	100.0	100.0
CLPB	100.0	100.0
PDE2A	100.0	100.0
C2CD3	100.0	100.0
PGM2L1	99.4	99.8
LIPT2	99.8	100.0
PAK1	100.0	100.0
ALG8	96.4	100.0
NARS2	96.5	98.8
EED	100.0	100.0
MED17	99.9	100.0
CEP57	100.0	100.0
FREM2	100.0	100.0
PROSER1	100.0	100.0

Gennaam **CreV4 (15X)** **SSv7 (15X)**

COG6	99.9	100.0
SLC25A15	100.0	100.0
SUCLA2	100.0	100.0
RNASEH2B	100.0	100.0
ALG11	100.0	100.0
PIBF1	98.7	100.0
CLN5	100.0	100.0
FBXL3	100.0	100.0
POU4F1	81.0	82.7
ZIC2	91.6	90.3
PCCA	100.0	100.0
NALCN	100.0	100.0
TPP2	98.0	100.0
ERCC5	99.7	100.0
LIG4	100.0	100.0
CARKD	100.0	100.0
CARS2	100.0	100.0
CHAMP1	100.0	100.0
TTC5	99.9	100.0
OSGEP	100.0	100.0
PNP	100.0	100.0
SUPT16H	100.0	100.0
CHD8	100.0	100.0
TINF2	100.0	100.0
FOXG1	99.2	99.0
BBS2	100.0	100.0
RSPRY1	100.0	100.0
COQ9	100.0	100.0
GPR56	100.0	100.0
KATNB1	100.0	100.0
CNOT1	100.0	100.0
GOT2	99.4	100.0
CDH11	100.0	100.0
NAE1	99.9	100.0
CTCF	98.1	100.0
PRMT7	100.0	100.0
VPS4A	100.0	100.0
COG8	100.0	100.0
AARS	100.0	100.0
FUK	99.9	100.0
COG4	100.0	100.0
VAC14	100.0	100.0
TAT	100.0	100.0
AP1G1	100.0	98.6
FA2H	99.6	100.0
TMEM231	100.0	100.0
KARS	100.0	100.0
WVOX	100.0	100.0
MAF	86.8	90.2
GCSH	99.4	92.1

Gennaam **CreV4 (15X)** **SSv7 (15X)**

MLYCD	99.9	100.0
FBXO31	99.8	100.0
CA5A	100.0	100.0
RTTN	99.9	100.0
ZNF407	100.0	100.0
CTDP1	99.1	100.0
POLRMT	99.3	100.0
NDUFS7	98.7	100.0
GAMT	100.0	100.0
APC2	97.0	100.0
ADAT3	99.9	100.0
LMNB2	96.1	99.3
DOHH	100.0	100.0
FZR1	100.0	100.0
ZBTB7A	98.3	99.9
MAP2K2	100.0	100.0
SEMA6B	99.3	100.0
KDM4B	99.9	99.9
C19orf70	100.0	100.0
LONP1	98.9	100.0
RFX2	100.0	100.0
TUBB4A	99.9	100.0
MCOLN1	100.0	100.0
PNPLA6	99.9	100.0
PET100	100.0	100.0
RAB11B	100.0	100.0
ZNF699	100.0	100.0
SMARCA4	100.0	100.0
DOCK6	99.8	99.9
MAN2B1	99.9	100.0
FTCD	94.9	99.9
LSS	99.8	100.0
MCM3AP	100.0	100.0
PCNT	99.9	100.0
PEX26	100.0	100.0
PRODH	98.9	100.0
SLC25A1	94.5	100.0
HIRA	100.0	100.0
TBX1	84.3	93.4
TANGO2	100.0	100.0
PI4KA	100.0	99.9
SNAP29	100.0	100.0
LZTR1	100.0	100.0
MAPK1	100.0	100.0
SMARCB1	100.0	100.0
SPECC1L	100.0	100.0
UPB1	100.0	100.0
MN1	100.0	100.0
AP1B1	100.0	100.0
TCN2	100.0	100.0

Gennaam	CreV4 (15X)	SSv7 (15X)
MORC2	100.0	100.0
PISD	100.0	100.0
DEPDC5	100.0	100.0
LARGE	100.0	100.0
SOX10	100.0	100.0
PLA2G6	100.0	100.0
CBY1	100.0	100.0
UFC1	100.0	100.0
NDUFS2	100.0	100.0
PBX1	100.0	100.0
TMCO1	99.3	100.0
PIGC	100.0	100.0
DARS2	100.0	100.0
TNR	100.0	100.0
TOR1AIP1	99.8	100.0
CACNA1E	100.0	100.0
GLUL	100.0	100.0
TSEN15	100.0	100.0
EDEM3	96.1	99.9
KCNT2	97.2	100.0
ASPM	99.4	100.0
KIF14	97.7	100.0
FOXP1	100.0	100.0
PHACTR1	99.7	100.0
GLDC	100.0	100.0
CCDC82	100.0	100.0
PRKD1	100.0	100.0
TRAPPC2L	100.0	100.0
DHPS	100.0	100.0
CACNA1I	97.0	100.0
MECP2	96.1	99.3
TNPO2	100.0	100.0
RNASEH2A	100.0	100.0
MAST1	100.0	100.0
NFIX	100.0	100.0
TRMT1	100.0	100.0
NACC1	100.0	100.0
CACNA1A	100.0	100.0
CC2D1A	100.0	100.0
TECR	100.0	100.0
BRD4	97.3	98.4
SIN3B	97.9	100.0
GTPBP3	100.0	100.0
MAST3	98.4	100.0
PIK3R2	94.6	99.9
SLC25A42	100.0	100.0
PEPD	100.0	100.0
UBA2	99.5	100.0
SCN1B	93.8	100.0
LGI4	100.0	100.0

Gennaam **CreV4 (15X)** **SSv7 (15X)**

COX6B1	100.0	100.0
KMT2B	96.1	98.6
SDHAF1	100.0	100.0
WDR62	100.0	100.0
YIF1B	100.0	100.0
PLEKHG2	100.0	100.0
TIMM50	100.0	100.0
SPTBN4	99.2	100.0
TNRC6B	97.8	100.0
ADSL	100.0	100.0
EP300	100.0	100.0
ACO2	100.0	100.0
NAGA	100.0	100.0
TCF20	100.0	100.0
CYB5R3	95.2	97.6
ALG12	100.0	100.0
MLC1	100.0	100.0
TUBGCP6	100.0	100.0
SCO2	100.0	100.0
CHKB	100.0	100.0
CHKB-CPT1B	100.0	100.0
ARSA	100.0	100.0
SHANK3	90.2	96.9
ARSE	100.0	100.0
NLGN4X	100.0	100.0
CLCN4	100.0	100.0
MID1	100.0	100.0
HCCS	100.0	100.0
MSL3	96.7	100.0
FRMPD4	100.0	100.0
OFD1	99.1	100.0
GLRA2	100.0	100.0
PIGA	100.0	100.0
AP1S2	97.2	100.0
NHS	99.7	100.0
FLNA	99.6	100.0
RPL10	100.0	100.0
GDI1	100.0	100.0
FAM50A	100.0	100.0
LAGE3	96.8	100.0
IKBKG	36.8	39.7
DKC1	100.0	100.0
RAB39B	100.0	100.0
DYM	100.0	100.0
SMAD4	100.0	100.0
DCC	100.0	100.0
TCF4	100.0	100.0
NARS	99.4	100.0
NEDD4L	98.0	100.0
CCBE1	100.0	100.0

Gennaam	CreV4 (15X)	SSv7 (15X)
PIGN	98.6	100.0
HNRNPUL1	99.8	100.0
CDKL5	98.6	99.9
BCKDHA	99.9	100.0
EXOSC5	100.0	100.0
RPS19	100.0	100.0
ATP1A3	100.0	100.0
ZNF526	100.0	100.0
ERF	99.6	100.0
CIC	100.0	100.0
MEGF8	99.9	99.9
ETHE1	94.5	100.0
SMG9	100.0	100.0
ERCC2	100.0	100.0
ERCC1	100.0	100.0
OPA3	100.0	100.0
NOVA2	93.1	97.5
FKRP	100.0	100.0
KPTN	100.0	100.0
GLTSCR1	93.3	99.1
GRIN2D	81.0	98.6
PRR12	99.6	100.0
MED25	100.0	100.0
PNKP	100.0	100.0
KCNC3	88.1	94.5
EMC10	93.6	96.2
PPP2R1A	100.0	100.0
CNOT3	99.6	100.0
MBOAT7	100.0	100.0
TSEN34	100.0	100.0
YAP1	99.3	100.0
GRIA4	99.9	100.0
ALKBH8	100.0	100.0
ACAT1	99.2	100.0
ALG9	99.7	100.0
DLAT	99.9	100.0
PTS	100.0	100.0
ZBTB16	100.0	100.0
UBE4A	99.9	100.0
KMT2A	99.6	99.9
ARCN1	100.0	100.0
DDX6	100.0	100.0
TRAPPC4	100.0	100.0
VPS11	100.0	100.0
DPAGT1	100.0	100.0
CBL	100.0	100.0
SC5D	100.0	100.0
HEPACAM	99.9	100.0
TMEM218	100.0	100.0
STT3A	100.0	100.0

Gennaam **CreV4 (15X)** **SSv7 (15X)**

PUS3	100.0	100.0
CDON	100.0	100.0
FOXRED1	100.0	100.0
DCPS	100.0	100.0
KIRREL3	100.0	100.0
JAM3	100.0	100.0
KDM5A	99.8	100.0
AP4S1	100.0	100.0
NUBPL	99.9	100.0
SRP54	97.4	100.0
KIAA0391	99.5	100.0
RALGAPA1	92.5	100.0
NKX2-1	100.0	100.0
TRAPPC6B	99.8	100.0
FAM179B	99.8	100.0
MGAT2	100.0	100.0
NEMF	99.5	100.0
SOS2	99.0	100.0
L2HGDH	99.7	100.0
BMP4	100.0	100.0
GCH1	92.7	100.0
OTX2	100.0	100.0
KIAA0586	99.8	95.5
TRMT5	100.0	100.0
FUT8	100.0	100.0
GPHN	100.0	100.0
PIGH	100.0	100.0
ZFYVE26	100.0	100.0
SMOC1	99.0	100.0
ABCD4	100.0	100.0
NPC2	100.0	100.0
ISCA2	100.0	100.0
FLVCR2	100.0	100.0
IRF2BPL	99.2	99.5
ACSF3	100.0	100.0
CDH15	99.1	100.0
ANKRD11	100.0	100.0
CHMP1A	100.0	100.0
CDK10	100.0	100.0
TUBB3	99.8	100.0
VPS53	100.0	100.0
GEMIN4	100.0	100.0
INPP5K	100.0	100.0
WDR81	100.0	100.0
DPH1	100.0	100.0
PAFAH1B1	94.7	100.0
ASPA	100.0	100.0
KIAA0753	100.0	100.0
SLC13A5	100.0	100.0
DLG4	100.0	100.0

Gennaam **CreV4 (15X)** **SSv7 (15X)**

EIF5A	100.0	100.0
POLR2A	100.0	100.0
MPDU1	100.0	100.0
KDM6B	97.6	100.0
CHD3	96.4	98.6
VAMP2	93.7	100.0
TMEM107	100.0	100.0
CTC1	100.0	100.0
MYH10	100.0	100.0
SCO1	100.0	100.0
ELAC2	100.0	100.0
PDHA1	100.0	100.0
RPS6KA3	98.9	100.0
CNKSR2	99.4	100.0
MBTPS2	99.9	100.0
SMS	100.0	100.0
PTCHD1	100.0	100.0
KLHL15	100.0	100.0
EIF2S3	100.0	100.0
POLA1	99.0	100.0
ARX	88.0	95.1
IL1RAPL1	100.0	100.0
GK	95.8	100.0
TSPAN7	99.9	100.0
OTC	99.4	100.0
BCOR	100.0	100.0
ATP6AP2	100.0	100.0
USP9X	99.9	100.0
DDX3X	99.9	100.0
CASK	98.3	100.0
MAOA	100.0	100.0
NDP	100.0	100.0
KDM6A	99.9	100.0
SLC9A7	99.0	100.0
RBM10	99.9	100.0
SYN1	100.0	100.0
FTSJ1	100.0	100.0
PORCN	99.8	100.0
SIK1	100.0	100.0
CSTB	100.0	100.0
TRAPPC10	99.3	100.0
ADARB1	93.9	94.4
EBP	100.0	100.0
PQBP1	100.0	100.0
SLC35A2	99.6	100.0
OTUD5	98.3	99.8
TFE3	99.8	100.0
WDR45	100.0	100.0
SYP	97.0	100.0
CCDC22	98.9	100.0

Gennaam **CreV4 (15X)** **SSv7 (15X)**

USP27X	100.0	100.0
SHROOM4	100.0	100.0
KDM5C	100.0	100.0
IQSEC2	98.9	99.5
SMC1A	100.0	100.0
HSD17B10	100.0	100.0
HUWE1	99.9	100.0
PHF8	100.0	100.0
FGD1	99.8	100.0
ARHGEF9	100.0	100.0
AMER1	100.0	100.0
ZC4H2	100.0	100.0
LAS1L	100.0	100.0
OPHN1	100.0	100.0
KIF4A	100.0	100.0
DLG3	100.0	100.0
MED12	99.9	100.0
NLGN3	99.8	100.0
NONO	99.3	100.0
TAF1	99.8	100.0
ABCD1	98.1	99.8
SSR4	100.0	100.0
L1CAM	100.0	100.0
NAA10	100.0	100.0
HCFC1	100.0	100.0
DAK	100.0	100.0
TMEM216	100.0	100.0
BSCL2	100.0	100.0
HNRNPUL2	100.0	100.0
CACNA1C	100.0	100.0
POMT2	100.0	100.0
COX10	100.0	100.0
TBC1D20	93.0	100.0
OGT	100.0	100.0
CCND2	100.0	100.0
C12orf4	99.3	100.0
KCNA1	100.0	100.0
CHD4	100.0	100.0
TPI1	99.8	100.0
ATN1	100.0	100.0
C12orf57	100.0	100.0
EMG1	100.0	100.0
PEX5	100.0	100.0
NECAP1	100.0	100.0
GRIN2B	100.0	100.0
MGP	92.4	100.0
ABCC9	100.0	100.0
SOX5	100.0	100.0
KRAS	100.0	100.0
PPFIBP1	100.0	100.0

Gennaam	CreV4 (15X)	SSv7 (15X)
IPO8	99.8	100.0
DDX11	100.0	99.9
DNM1L	100.0	100.0
ARID2	100.0	100.0
DDX23	100.0	100.0
KMT2D	100.0	100.0
TUBA1A	100.0	100.0
SMARCD1	98.8	100.0
DIP2B	99.4	100.0
SCN8A	100.0	100.0
AAAS	100.0	100.0
GALC	99.8	100.0
ZC3H14	100.0	100.0
TTC8	96.0	100.0
CCDC88C	100.0	100.0
UBR7	99.0	100.0
VRK1	100.0	100.0
BCL11B	99.8	99.9
EML1	99.9	100.0
YY1	100.0	100.0
DYNC1H1	100.0	100.0
TECPR2	100.0	100.0
CDC42BPB	98.0	100.0
APOPT1	100.0	100.0
KIF26A	98.8	100.0
BRF1	99.5	100.0
PACS2	97.7	99.7
MAGEL2	100.0	100.0
UBE3A	100.0	100.0
GABRB3	100.0	100.0
GABRA5	100.0	100.0
HERC2	98.7	99.8
OTUD7A	97.4	98.5
SLC12A6	100.0	100.0
MEIS2	100.0	100.0
SPRED1	100.0	100.0
BUB1B	98.1	100.0
IVD	100.0	100.0
NBEA	98.9	99.6
MAB21L1	100.0	100.0
SPG20	100.0	100.0
EXOSC8	98.2	100.0
C15orf57	100.0	100.0
CASC5	98.9	98.2
UBR1	99.9	100.0
TUBGCP4	99.9	99.9
GATM	100.0	100.0
SPATA5L1	100.0	100.0
CEP152	97.2	100.0
AP4E1	100.0	100.0

Gennaam CreV4 (15X) Ssv7 (15X)

DMXL2	99.9	100.0
GNB5	100.0	100.0
MYO5A	98.2	100.0
RAB27A	100.0	100.0
PIGB	95.6	100.0
RFX7	98.4	99.9
RORA	100.0	100.0
HERC1	100.0	100.0
CSNK1G1	100.0	100.0
MTFMT	99.9	100.0
RAB11A	100.0	100.0
MAP2K1	100.0	100.0
CLN6	99.8	100.0
FEM1B	100.0	100.0
PARP6	100.0	100.0
HEXA	100.0	100.0
BBS4	100.0	100.0
STRA6	100.0	100.0
SCAMP5	100.0	100.0
MAN2C1	100.0	100.0
SHQ1	100.0	100.0
ROBO1	100.0	100.0
ARL13B	100.0	100.0
ARL6	100.0	100.0
TBC1D23	99.1	100.0
ZBTB11	100.0	100.0
ATP6V1A	99.9	100.0
ZBTB20	100.0	100.0
ARHGAP31	100.0	100.0
TIMMDC1	100.0	100.0
UMPS	100.0	100.0
ZNF148	100.0	100.0
UROC1	100.0	100.0
PLXNA1	100.0	100.0
ACAD9	100.0	100.0
UBA5	99.5	100.0
PCCB	100.0	95.8
STAG1	98.0	100.0
MRAS	100.0	100.0
MRPS22	99.8	100.0
COPB2	99.6	100.0
ATR	99.9	100.0
ZIC1	99.8	100.0
RNF13	99.8	100.0
MED12L	100.0	100.0
PLCH1	99.9	100.0
SLC33A1	100.0	100.0
TBC1D7	100.0	100.0
JARID2	100.0	100.0
SOX4	98.2	99.7

Gennaam **CreV4 (15X)** **SSv7 (15X)**

ALDH5A1	99.8	100.0
TDP2	100.0	100.0
GMNN	96.4	100.0
HIST1H4C	100.0	100.0
HIST1H1E	99.9	100.0
HIST1H4E	100.0	100.0
HIST1H4F	100.0	100.0
HIST1H4I	100.0	100.0
TUBB	100.0	99.6
VAR52	96.9	100.0
CSNK2B	100.0	100.0
ABHD16A	100.0	100.0
VAR5	100.0	100.0
NEU1	100.0	100.0
SYNGAP1	97.8	99.2
UQCC2	100.0	100.0
MOCS1	100.0	100.0
FOXP4	99.3	100.0
TAF8	100.0	100.0
PEX6	99.9	100.0
PPP2R5D	100.0	100.0
POLR1C	100.0	100.0
GTPBP2	97.8	100.0
SLC35B2	98.9	100.0
MPDZ	100.0	100.0
NFIB	99.5	100.0
PLAA	100.0	100.0
IFT74	95.7	100.0
APTX	100.0	100.0
B4GALT1	100.0	100.0
NUDT2	100.0	100.0
GALT	100.0	100.0
PIGO	100.0	100.0
RUSC2	100.0	100.0
PAX5	100.0	100.0
EXOSC3	100.0	100.0
SMC5	99.0	100.0
TRPM3	100.0	100.0
HNRNPK	99.4	100.0
NTRK2	100.0	100.0
AGTPBP1	98.2	100.0
AUH	98.8	100.0
ROR2	100.0	100.0
IARS	100.0	100.0
PTCH1	100.0	100.0
ERCC6L2	100.0	100.0
XPA	99.5	100.0
NANS	100.0	100.0
GABBR2	98.3	98.9
ALG2	100.0	100.0

Gennaam **CreV4 (15X)** **SSv7 (15X)**

SLC44A1	96.9	98.4
TTC19	100.0	100.0
PIGL	100.0	100.0
RAI1	100.0	100.0
TOP3A	100.0	100.0
B9D1	100.0	100.0
ALDH3A2	100.0	100.0
SLC46A1	100.0	100.0
PIGS	100.0	100.0
TAOK1	99.3	99.9
NSRP1	88.1	100.0
NF1	99.7	100.0
SUZ12	87.3	100.0
PEX12	100.0	100.0
ZNHIT3	100.0	100.0
PIGW	100.0	100.0
PCGF2	100.0	100.0
NEUROD2	100.0	100.0
PGAP3	100.0	100.0
THRA	100.0	100.0
CDC6	100.0	100.0
SMARCE1	100.0	100.0
ATP6V0A1	100.0	100.0
NAGLU	99.9	100.0
COASY	100.0	100.0
TUBG1	100.0	100.0
CNTNAP1	100.0	100.0
UBTF	99.9	100.0
CSNK2A1	100.0	100.0
SNRPB	100.0	100.0
VPS16	100.0	100.0
ITPA	100.0	100.0
PANK2	100.0	100.0
CRLS1	99.8	100.0
PLCB1	99.9	100.0
SNAP25	100.0	100.0
MKKS	100.0	100.0
TASP1	100.0	99.9
NDUFAF5	100.0	100.0
NAPB	100.0	100.0
ASXL1	98.4	100.0
DNMT3B	99.9	100.0
AHCY	100.0	100.0
PIGU	99.7	100.0
GSS	100.0	100.0
SAMHD1	100.0	100.0
FITM2	100.0	100.0
PIGT	100.0	100.0
CTSA	100.0	100.0
ZNF335	100.0	100.0

Gennaam **CreV4 (15X)** **SSv7 (15X)**

SLC12A5	99.0	100.0
TP53RK	100.0	100.0
ARFGEF2	100.0	100.0
KCNB1	100.0	100.0
ADNP	100.0	100.0
HDAC8	99.9	100.0
SLC16A2	99.9	100.0
RLIM	100.0	100.0
KIAA2022	100.0	100.0
ATRX	98.8	100.0
ATP7A	100.0	100.0
PGK1	100.0	100.0
BRWD3	99.5	100.0
ZNF711	99.8	100.0
PCDH19	100.0	100.0
TIMM8A	100.0	100.0
HNRNPH2	100.0	100.0
TCEAL1	99.8	100.0
PLP1	100.0	100.0
PRPS1	100.0	100.0
ACSL4	99.8	100.0
PAK3	99.8	100.0
DCX	99.9	100.0
ALG13	99.7	100.0
CXorf56	100.0	100.0
UBE2A	100.0	100.0
UPF3B	88.8	100.0
RNF113A	100.0	100.0
NDUFA1	100.0	100.0
NKAP	93.2	99.9
LAMP2	100.0	100.0
CUL4B	98.2	100.0
RPGRIP1L	96.9	96.4
FTO	100.0	100.0
IRX5	100.0	100.0
GNAO1	100.0	100.0
EFTUD2	100.0	100.0
DPM1	100.0	100.0
GRIA3	99.9	100.0
THOC2	94.6	100.0
STAG2	98.2	100.0
OCRL	98.6	100.0
ZDHHC9	100.0	100.0
BCORL1	100.0	100.0
AIFM1	100.0	100.0
GPC4	100.0	100.0
GPC3	100.0	100.0
PHF6	97.6	100.0
HPRT1	93.1	100.0
SLC9A6	99.9	100.0

Gennaam **CreV4 (15X)** **SSv7 (15X)**

FGF13	99.9	100.0
SOX3	100.0	100.0
FMR1	99.6	100.0
AFF2	99.9	100.0
IDS	100.0	100.0
GABRA3	99.9	100.0
NSDHL	100.0	100.0
SLC6A8	98.9	99.3
BCAP31	99.8	100.0
GFAP	100.0	100.0
KANSL1	100.0	100.0
PNPO	100.0	100.0
SPOP	100.0	100.0
CACNA1G	99.9	100.0
MKS1	100.0	100.0
BZRAP1	100.0	100.0
SMG8	100.0	100.0
CLTC	100.0	100.0
PTRH2	100.0	100.0
PPM1D	100.0	100.0
BCAS3	100.0	100.0
MED13	100.0	100.0
TLK2	100.0	100.0
TANC2	100.0	100.0
STRADA	100.0	100.0
CCDC47	100.0	100.0
PSMD12	100.0	100.0
BPTF	95.7	97.0
COG1	100.0	100.0
HID1	100.0	100.0
SLC25A19	100.0	100.0
KIAA0195	100.0	100.0
TSEN54	96.9	99.5
H3F3B	100.0	100.0
ACOX1	100.0	100.0
METTL23	100.0	100.0
NGLY1	100.0	100.0
GLB1	100.0	100.0
CTNNB1	100.0	100.0
TRAK1	100.0	100.0
RSRC1	98.5	100.0
AARS2	100.0	100.0
FKTN	100.0	100.0
BLOC1S1	99.9	100.0
SIN3A	100.0	100.0
CANT1	100.0	100.0
ATP9A	99.8	99.8
GNAS	99.9	100.0
TAF4	77.6	81.0
KCNQ2	97.6	100.0

Gennaam **CreV4 (15X)** **SSv7 (15X)**

EEF1A2	97.5	100.0
TIAM1	100.0	100.0
SCAF4	98.0	100.0
SYNJ1	97.7	100.0
SON	100.0	100.0
DONSON	97.4	100.0
ITSN1	99.8	100.0
HLCS	100.0	100.0
PIGP	100.0	100.0
DYRK1A	100.0	100.0
KCNJ6	100.0	100.0
PRDM15	97.0	98.5
WDR4	100.0	100.0
CBS	100.0	100.0
GFM1	100.0	100.0
CLDN11	100.0	100.0
TNIK	99.9	100.0
TBL1XR1	100.0	100.0
PIK3CA	100.0	100.0
ACTL6A	100.0	100.0
DNAJC19	100.0	100.0
SOX2	99.8	100.0
MCCC1	100.0	100.0
AP2M1	100.0	100.0
ALG3	100.0	100.0
CLCN2	100.0	100.0
MASP1	100.0	100.0
FGF12	100.0	100.0
NRROS	100.0	100.0
PIGG	100.0	100.0
CPLX1	94.6	100.0
IDUA	97.8	100.0
CTBP1	94.5	97.4
FGFR3	100.0	100.0
WHSC1	99.6	99.9
ADD1	100.0	100.0
HTT	99.2	99.1
CC2D2A	99.8	100.0
QDPR	99.9	100.0
SEPSECS	100.0	100.0
RBPJ	100.0	100.0
MUT	100.0	100.0
RAB23	100.0	100.0
KCNQ5	99.3	100.0
MTO1	97.6	99.1
SLC17A5	100.0	100.0
PHIP	97.0	99.2
ELOVL4	100.0	100.0
BCKDHB	100.0	100.0
PGM3	100.0	100.0

Gennaam **CreV4 (15X)** **SSv7 (15X)**

SNX14	92.3	100.0
SYNCRIP	100.0	100.0
ZNF292	100.0	100.0
SLC35A1	100.0	100.0
RARS2	100.0	100.0
NDUFAF4	100.0	100.0
FBXL4	100.0	100.0
PRDM13	99.0	100.0
GRIK2	100.0	100.0
HACE1	99.7	100.0
RTN4IP1	100.0	100.0
PDSS2	99.7	100.0
SOBP	98.5	99.7
ZBTB24	100.0	100.0
FIG4	100.0	100.0
WASF1	99.8	100.0
CDK19	99.9	100.0
NUS1	99.8	99.6
TXNDC15	100.0	100.0
NEUROG1	100.0	100.0
KDM3B	98.8	99.9
SIL1	100.0	100.0
CEP85L	93.1	100.0
EIF4A3	99.9	100.0
SGSH	94.5	100.0
C17orf89	99.5	100.0
ACTG1	100.0	100.0
PCYT2	93.8	99.1
PYCR1	99.8	100.0
RAC3	91.5	93.9
WDR45B	100.0	100.0
TBCD	99.0	100.0
TGIF1	100.0	100.0
LAMA1	100.0	100.0
NDUFV2	99.1	100.0
PIZO2	99.9	99.9
AFG3L2	92.9	100.0
RBBP8	99.8	100.0
NPC1	100.0	100.0
CDH2	98.5	100.0
RNF125	100.0	100.0
ASXL3	100.0	100.0
MAPRE2	100.0	100.0
ELP2	99.6	100.0
SETBP1	99.3	99.9
LAMA2	100.0	99.6
ARG1	100.0	100.0
MED23	100.0	100.0
AHI1	100.0	100.0
PEX7	100.0	100.0

Gennaam	CreV4 (15X)	SSv7 (15X)
HIVEP2	100.0	100.0
PEX3	100.0	100.0
GRM1	100.0	100.0
TAB2	100.0	100.0
RMND1	97.7	100.0
SYNE1	100.0	100.0
ARID1B	98.6	99.7
SERAC1	99.7	100.0
GTF2H5	100.0	100.0
RNASET2	99.9	100.0
DLL1	100.0	100.0
FAM20C	99.4	100.0
PRKAR1B	100.0	100.0
INTS1	99.5	100.0
BRAT1	100.0	100.0
WIPI2	100.0	100.0
ACTB	100.0	100.0
AIMP2	100.0	100.0
RAC1	94.2	100.0
TMEM106B	99.7	100.0
AGMO	99.0	100.0
ISPD	100.0	100.0
ZNF462	100.0	100.0
FRRS1L	86.1	100.0
TRIM32	100.0	100.0
CDK5RAP2	99.8	100.0
STXBP1	100.0	100.0
DNM1	97.0	100.0
COQ4	98.9	100.0
SPTAN1	100.0	100.0
SET	100.0	100.0
NUP188	100.0	100.0
DOLK	100.0	100.0
ASS1	100.0	100.0
EXOSC2	100.0	100.0
LAMC3	100.0	100.0
NUP214	100.0	100.0
POMT1	100.0	100.0
MED27	100.0	100.0
NTNG2	99.9	99.3
TSC1	100.0	100.0
SURF1	94.8	99.1
WDR5	100.0	100.0
KCNT1	99.0	99.9
PMPCA	100.0	100.0
INPP5E	100.0	100.0
AGPAT2	100.0	100.0
ABCA2	100.0	99.9
MAN1B1	100.0	100.0
SUOX	100.0	100.0

Gennaam	CreV4 (15X)	SSv7 (15X)
SMARCC2	100.0	100.0
PAN2	100.0	100.0
SHMT2	100.0	100.0
B4GALNT1	100.0	100.0
TSFM	100.0	93.3
TMEM5	99.7	100.0
GNS	99.7	100.0
NUP107	99.9	100.0
CNOT2	100.0	100.0
KCNC2	100.0	100.0
BBS10	100.0	100.0
SYT1	100.0	100.0
PPP1R12A	94.0	100.0
CEP290	84.8	100.0
TMTC3	99.6	100.0
ATP2B1	100.0	100.0
CRADD	100.0	100.0
CEP83	89.7	100.0
SCYL2	99.9	100.0
GNPTAB	100.0	100.0
IGF1	100.0	100.0
PAH	100.0	100.0
KIAA1033	99.1	100.0
POLR3B	100.0	100.0
RFX4	100.0	100.0
UBE3B	100.0	100.0
SCAPER	99.5	100.0
TBC1D2B	99.1	99.1
AP3B2	100.0	100.0
WDR73	100.0	100.0
POLG	100.0	100.0
KIF7	97.3	99.9
IDH2	100.0	100.0
BLM	99.8	100.0
CHD2	99.8	100.0
IGF1R	100.0	100.0
LINS	100.0	100.0
POLR3K	100.0	100.0
NPRL3	100.0	100.0
CAPN15	99.5	99.9
PIGQ	100.0	100.0
GNPTG	100.0	100.0
TELO2	99.6	100.0
MAPK8IP3	100.0	100.0
MRPS34	100.0	100.0
GFER	100.0	100.0
TSC2	100.0	100.0
TRAF7	99.5	99.9
TBC1D24	100.0	100.0
SRRM2	100.0	100.0

Gennaam **CreV4 (15X)** **SSv7 (15X)**

THOC6	100.0	100.0
CREBBP	99.4	100.0
ROGDI	99.5	100.0
DDX59	100.0	100.0
KIF21B	99.4	100.0
KDM5B	100.0	100.0
PPP1R15B	100.0	100.0
NFASC	100.0	100.0
KCNH1	100.0	100.0
FLVCR1	99.9	100.0
CENPF	100.0	100.0
EPRS	100.0	100.0
RAB3GAP2	99.4	100.0
FBXO28	99.7	100.0
DEGS1	100.0	100.0
WDR26	100.0	100.0
TMEM63A	100.0	100.0
PYCR2	100.0	100.0
H3F3A	100.0	100.0
ADCK3	100.0	100.0
ARF1	100.0	100.0
GJC2	98.3	99.4
IBA57	99.8	100.0
GALNT2	99.9	100.0
ARV1	100.0	100.0
GNPAT	99.7	100.0
TBCE	100.0	100.0
B3GALNT2	100.0	100.0
MTR	100.0	100.0
FMN2	91.4	96.1
CSPP1	98.3	100.0
ARFGEF1	99.9	99.9
TMEM70	100.0	100.0
ZFHX4	99.9	100.0
GRIN1	100.0	100.0
EHMT1	98.8	99.2
CACNA1B	98.3	99.7
ZMYND11	100.0	100.0
WDR37	100.0	100.0
PITRM1	100.0	100.0
CELF2	100.0	100.0
DHTKD1	100.0	100.0
CUBN	100.0	100.0
PTF1A	99.8	100.0
PDSS1	95.2	96.1
RAB18	99.7	100.0
WAC	99.1	99.9
HNRNPF	100.0	100.0
ERCC6	100.0	100.0
OGDHL	100.0	100.0

Gennaam **CreV4 (15X)** **SSv7 (15X)**

ANK3	100.0	100.0
DNAJC12	100.0	100.0
KIAA1279	100.0	100.0
HK1	100.0	100.0
SGPL1	100.0	100.0
PSAP	100.0	97.9
MICU1	100.0	100.0
FH	100.0	100.0
LIAS	96.3	100.0
TWIST1	99.5	100.0
FAM149B1	100.0	100.0
MMAB	100.0	100.0
ALG1	99.5	99.9
EPG5	100.0	100.0
ATP5A1	100.0	100.0
IER3IP1	100.0	100.0
ABAT	100.0	100.0
PMM2	100.0	100.0
USP7	97.4	100.0
GRIN2A	100.0	100.0
PARN	100.0	100.0
NDE1	100.0	100.0
XYLT1	98.0	99.2
THUMPD1	99.5	100.0
COG7	100.0	100.0
EARS2	100.0	100.0
KIAA0556	100.0	100.0
CLN3	99.2	100.0
PRRT2	100.0	100.0
SRCAP	100.0	100.0
SETD1A	99.1	100.0
STX1B	96.4	100.0
ZNF668	100.0	100.0
BCKDK	100.0	100.0
KAT8	100.0	100.0
GPT2	98.4	100.0
SIAH1	100.0	100.0
HEATR3	100.0	100.0
SALL1	100.0	100.0
RBL2	100.0	100.0
SDCCAG8	100.0	100.0
AKT3	100.0	100.0
ZBTB18	99.9	99.9
HNRNPU	98.7	100.0
MYT1L	100.0	100.0
TRAPPC12	100.0	100.0
COLEC11	100.0	100.0
SOX11	100.0	100.0
KIDINS220	100.0	100.0
ODC1	100.0	100.0

Gennaam **CreV4 (15X)** **SSv7 (15X)**

MYCN	99.0	99.9
PTRHD1	100.0	100.0
DNMT3A	100.0	100.0
ASXL2	98.5	100.0
HADHA	100.0	100.0
DPYSL5	100.0	100.0
CAD	100.0	100.0
IFT172	100.0	100.0
PPP1CB	100.0	100.0
SPAST	100.0	100.0
EIF2AK2	99.4	98.5
SOS1	98.8	100.0
LRPPRC	99.8	100.0
PREPL	100.0	100.0
SIX3	99.8	100.0
PIGF	87.2	100.0
CRIP1	99.9	100.0
UGDH	100.0	100.0
SLC30A9	99.8	100.0
GABRA2	100.0	100.0
GABRB1	100.0	100.0
GSX2	100.0	100.0
SRD5A3	99.8	100.0
TMEM165	99.8	100.0
CEP135	99.1	100.0
SLC4A4	100.0	100.0
ANKRD17	99.4	100.0
FRAS1	100.0	100.0
HNRNPD	100.0	100.0
COQ2	99.6	100.0
WDFY3	100.0	100.0
PIGY	100.0	100.0
GRID2	100.0	100.0
TRMT10A	100.0	100.0
PPP3CA	100.0	100.0
SLC39A8	100.0	100.0
MANBA	100.0	100.0
TBCK	96.0	100.0
AIMP1	99.2	100.0
CYP2U1	99.7	100.0
HADH	100.0	100.0
LARP7	97.4	100.0
PRSS12	100.0	100.0
EXOSC9	92.2	99.2
FAM126A	100.0	100.0
KLHL7	100.0	100.0
HOXA1	100.0	100.0
BBS9	99.5	100.0
VPS41	97.7	100.0
RALA	91.5	100.0

Gennaam **CreV4 (15X)** **SSv7 (15X)**

CDK13	100.0	100.0
MPLKIP	99.2	100.0
GLI3	100.0	100.0
CAMK2B	100.0	100.0
DDC	99.5	100.0
PSPH	99.1	100.0
GUSB	100.0	100.0
ASL	100.0	100.0
KCTD7	100.0	100.0
SBDS	100.0	100.0
AUTS2	100.0	100.0
MDH2	99.9	100.0
YWHAG	100.0	100.0
GNAI1	100.0	100.0
CACNA2D1	94.8	99.6
PCLO	99.9	99.8
ADAM22	100.0	100.0
PEX1	96.6	100.0
SAMD9	100.0	100.0
ASNS	100.0	100.0
TRRAP	99.7	99.8
AP4M1	100.0	100.0
CAMK2G	100.0	100.0
ADK	99.9	100.0
KAT6B	99.5	100.0
KCNMA1	99.9	100.0
POLR3A	100.0	100.0
ZMIZ1	96.6	100.0
MAT1A	100.0	100.0
MINPP1	99.8	100.0
PTEN	100.0	100.0
KIF11	99.9	100.0
FRA10AC1	88.7	99.9
ALDH18A1	100.0	100.0
ENTPD1	100.0	100.0
COX15	100.0	100.0
CWF19L1	99.9	100.0
FAM178A	99.9	100.0
C10orf2	100.0	100.0
SUFU	100.0	100.0
TRIM8	100.0	100.0
ARL3	91.9	100.0
CNNM2	100.0	100.0
NT5C2	99.0	100.0
ADD3	100.0	100.0
SMC3	99.5	100.0
SHOC2	100.0	100.0
TCF7L2	99.2	100.0
NHLRC2	100.0	100.0
SASS6	85.6	100.0

Gennaam	CreV4 (15X)	SSv7 (15X)
DBT	99.7	100.0
RNPC3	96.8	100.0
GPSM2	100.0	100.0
FBXO11	99.7	100.0
PPP1R21	100.0	100.0
NRXN1	100.0	99.1
SPTBN1	100.0	100.0
BCL11A	100.0	100.0
PEX13	100.0	100.0
XPO1	99.9	100.0
UGP2	100.0	100.0
SLC1A4	100.0	100.0
SPRED2	98.2	100.0
NFU1	95.8	100.0
SPR	100.0	100.0
ALMS1	99.9	100.0
TPRKB	92.7	100.0
STAMBP	100.0	100.0
TET3	100.0	100.0
BOLA3	98.9	100.0
MOGS	100.0	100.0
HTRA2	100.0	100.0
CTNNA2	100.0	100.0
SUCLG1	100.0	100.0
ST3GAL5	92.1	100.0
EIF2AK3	98.0	100.0
RPIA	100.0	100.0
BBS7	99.5	100.0
KIAA1109	100.0	100.0
BBS12	100.0	100.0
SPATA5	100.0	100.0
FAT4	100.0	100.0
PLK4	100.0	100.0
MFSD8	100.0	100.0
NAA15	100.0	100.0
SMARCA5	99.8	100.0
MMAA	100.0	100.0
AFF3	98.0	99.3
POU3F3	73.9	84.2
NPHP1	96.6	100.0
CKAP2L	92.9	100.0
PAX8	100.0	100.0
GLI2	99.9	100.0
ERCC3	100.0	100.0
SMPD4	100.0	100.0
CCDC115	100.0	100.0
RAB3GAP1	100.0	100.0
DARS	97.2	100.0
HNMT	100.0	100.0
ZEB2	100.0	100.0

Gennaam **CreV4 (15X)** **SSv7 (15X)**

MBD5	100.0	100.0
KIF5C	99.4	100.0
MMADHC	99.5	100.0
NR4A2	100.0	100.0
TBR1	100.0	100.0
IFIH1	100.0	100.0
SCN3A	100.0	100.0
SCN2A	99.7	100.0
SCN1A	100.0	100.0
LRP2	100.0	100.0
BBS5	100.0	100.0
METTL5	100.0	100.0
GAD1	100.0	100.0
DCAF17	100.0	100.0
DYNC1I2	100.0	100.0
SLC25A12	100.0	100.0
MAB21L2	100.0	100.0
TAF6	100.0	100.0
SLC18A2	100.0	100.0
MVK	100.0	100.0
ATP2A2	100.0	100.0
CUX2	98.7	100.0
MAPKAPK5	100.0	100.0
PTPN11	98.2	100.0
MED13L	99.8	100.0
CIT	100.0	100.0
ACADS	100.0	100.0
SETD1B	97.4	98.0
HPD	100.0	100.0
C12orf65	99.5	100.0
TCTN2	100.0	100.0
ATP6V0A2	100.0	100.0
DHX37	100.0	100.0
PUS1	99.9	100.0
FBRSL1	83.3	90.9
ZMYM2	100.0	100.0
CENPJ	100.0	100.0
ATP8A2	100.0	100.0
CDK8	98.8	100.0
HMGB1	100.0	100.0
B3GALTL	98.2	100.0
FRY	100.0	100.0
B3GALT6	82.2	88.1
ATAD3A	96.5	93.4
TMEM240	99.9	100.0
GNB1	100.0	100.0
GABRD	93.8	98.6
SKI	98.5	99.9
PEX10	100.0	100.0
TP73	100.0	100.0

Gennaam **CreV4 (15X)** **SSv7 (15X)**

CEP104	100.0	100.0
CHD5	97.8	100.0
CAMTA1	99.2	100.0
SLC45A1	100.0	100.0
RERE	99.9	100.0
NMNAT1	100.0	100.0
PEX14	100.0	100.0
MTOR	100.0	100.0
MTHFR	100.0	100.0
KIAA1715	94.2	96.5
AGPS	95.6	100.0
NCKAP1	97.0	100.0
HIBCH	99.1	100.0
GLS	100.0	100.0
HECW2	100.0	100.0
PGAP1	96.9	100.0
HSPD1	100.0	100.0
SATB2	99.5	100.0
C2orf69	99.9	100.0
TMEM237	100.0	100.0
NDUFS1	100.0	100.0
EEF1B2	100.0	100.0
FASTKD2	100.0	100.0
UNC80	100.0	100.0
CPS1	100.0	100.0
ATIC	100.0	100.0
ZNF142	100.0	100.0
BCS1L	100.0	100.0
GMPPA	100.0	100.0
CUL3	100.0	100.0
MFF	100.0	100.0
SLC19A3	100.0	100.0
TRIP12	100.0	100.0
ARMC9	100.0	100.0
PDE6D	100.0	100.0
DIS3L2	100.0	100.0
FBXW7	100.0	100.0
GRIA2	99.7	100.0
MSMO1	100.0	100.0
CPE	96.1	100.0
CLCN3	100.0	100.0
AGA	100.0	100.0
TRAPPC11	99.3	100.0
UFSP2	100.0	100.0
SLC6A19	99.0	100.0
SLC6A3	100.0	100.0
NSUN2	98.7	100.0
MTRR	100.0	100.0
CTNND2	96.9	99.4
TRIO	99.0	99.4

Gennaam **CreV4 (15X)** **SSv7 (15X)**

ANKH	100.0	100.0
LMBRD2	95.3	100.0
NIPBL	98.8	99.9
C5orf42	99.0	100.0
HCN1	100.0	100.0
MOCS2	100.0	100.0
NDUFS4	100.0	100.0
PDE4D	99.6	99.9
ERCC8	100.0	100.0
NDUFAF2	99.3	100.0
ZSWIM6	96.2	96.3
KIF2A	99.2	100.0
CWC27	87.9	99.4
ACTL6B	100.0	100.0
GNB2	100.0	100.0
AP1S1	100.0	100.0
CUX1	97.6	99.5
PMPCB	100.0	100.0
RELN	100.0	100.0
KMT2E	99.9	100.0
PUS7	100.0	100.0
COG5	98.8	100.0
DLD	100.0	100.0
LAMB1	100.0	100.0
NRCAM	100.0	100.0
FOXP2	100.0	100.0
CAPZA2	94.5	100.0
KCND2	100.0	100.0
AASS	99.9	100.0
RBM28	100.0	100.0
CEP41	100.0	100.0
BRAF	99.1	100.0
TPK1	100.0	100.0
CNTNAP2	100.0	100.0
EZH2	100.0	100.0
RHEB	90.6	100.0
KMT2C	99.4	100.0
DPP6	98.9	99.9
SHH	99.1	99.9
NCAPG2	99.6	100.0
CLN8	100.0	100.0
PDZD8	100.0	100.0
EMX2	99.6	100.0
SFXN4	99.9	100.0
WDR11	100.0	100.0
FGFR2	100.0	100.0
EBF3	98.8	100.0
NKX6-2	99.9	100.0
TUBGCP2	100.0	96.6
ECHS1	99.6	100.0

Gennaam **CreV4 (15X)** **SSv7 (15X)**

HRAS	100.0	100.0
DEAF1	93.8	99.9
SLC25A22	100.0	100.0
PIDD1	100.0	100.0
BRSK2	99.9	99.9
CTSD	100.0	100.0
TH	100.0	100.0
CDKN1C	82.6	91.4
CARS	100.0	100.0
PGAP2	100.0	100.0
SMPD1	100.0	100.0
TPP1	100.0	100.0
DCHS1	100.0	100.0
EIF3F	100.0	100.0
DENND5A	100.0	100.0
CTR9	100.0	100.0
FAR1	100.0	100.0
RRAS2	100.0	100.0
CLCN6	100.0	100.0
HDAC4	97.4	100.0
PIK3R1	100.0	100.0
MCPH1	99.7	100.0
COPB1	99.0	100.0
SOX6	99.6	100.0
KCNJ11	100.0	100.0
KCNC1	100.0	100.0
PAX6	100.0	100.0
CAPRIN1	100.0	100.0
PDHX	100.0	100.0
SLC1A2	100.0	100.0
EXT2	100.0	100.0
ALX4	99.5	100.0
SLC35C1	100.0	100.0
PEX16	100.0	100.0
PHF21A	99.7	100.0
MADD	100.0	100.0
CLP1	100.0	100.0
TMX2	100.0	100.0
CTNND1	100.0	100.0
FAM111A	100.0	100.0
DDB1	100.0	100.0
VPS13D	100.0	100.0
SPEN	100.0	100.0
ATP13A2	99.9	100.0
ALDH4A1	100.0	100.0
EMC1	100.0	100.0
DDOST	100.0	100.0
CDC42	100.0	100.0
KDM1A	99.9	100.0
HNRNPR	100.0	100.0

Gennaam **CreV4 (15X)** **SSv7 (15X)**

GALE	100.0	100.0
HMGCL	100.0	100.0
FUCA1	100.0	100.0
DHDDS	100.0	100.0
ARID1A	97.3	99.5
PIGV	100.0	100.0
TMEM222	100.0	100.0
AHDC1	99.3	99.9
PUM1	100.0	100.0
YARS	100.0	100.0
NCDN	100.0	100.0
AGO1	100.0	100.0
ADPRHL2	100.0	100.0
SNIP1	100.0	100.0
MACF1	100.0	100.0
TRIT1	100.0	100.0
MFSD2A	100.0	100.0
PPT1	100.0	100.0
CCDC23	100.0	100.0
FDFT1	98.4	100.0
TUSC3	100.0	100.0
VPS37A	99.5	100.0
ASAH1	99.4	100.0
ATP6V1B2	100.0	100.0
LGI3	99.4	100.0
SLC39A14	100.0	100.0
RHOBTB2	100.0	100.0
ESCO2	100.0	100.0
EXTL3	100.0	100.0
TTI2	100.0	100.0
ERLIN2	100.0	100.0
PROSC	100.0	100.0
DDHD2	100.0	100.0
FGFR1	100.0	100.0
KAT6A	100.0	100.0
POMK	100.0	100.0
HGSNAT	94.6	99.8
CA8	100.0	100.0
CHD7	99.9	100.0
OCLN	84.8	94.7
MCCC2	99.8	100.0
MAP1B	99.6	100.0
HEXB	98.6	100.0
GFM2	100.0	100.0
COL4A3BP	99.6	100.0
AP3B1	97.2	100.0
DHFR	98.5	100.0
XRCC4	100.0	100.0
MEF2C	100.0	100.0
NR2F1	98.7	98.8

Gennaam **CreV4 (15X)** **SSv7 (15X)**

TTC37	100.0	100.0
CHD1	95.6	100.0
SLC25A46	98.2	100.0
CAMK4	100.0	100.0
KCNN2	100.0	100.0
HSD17B4	95.3	100.0
CEP120	100.0	100.0
ALDH7A1	100.0	100.0
LMNB1	99.9	100.0
SLC12A2	98.4	100.0
LYRM7	93.2	100.0
AFF4	99.9	100.0
PPP2CA	100.0	100.0
KIF1A	100.0	100.0
DTYMK	100.0	100.0
D2HGDH	100.0	100.0
TRNT1	91.0	100.0
CRBN	98.1	100.0
SUMF1	100.0	100.0
ITPR1	100.0	100.0
GRM7	100.0	100.0
SETD5	100.0	100.0
BRPF1	100.0	100.0
ARPC4	100.0	100.0
FANCD2	100.0	100.0
SLC6A1	99.7	100.0
ATG7	100.0	100.0
TSEN2	100.0	100.0
RAF1	100.0	100.0
IQSEC1	100.0	100.0
CCDC174	95.0	100.0
BTD	100.0	100.0
SATB1	100.0	100.0
THRB	100.0	100.0
RARB	100.0	100.0
SLC2A1	100.0	100.0
SZT2	99.9	100.0
ST3GAL3	100.0	100.0
SLC6A9	100.0	100.0
RNF220	99.8	100.0
HPDL	100.0	100.0
TOE1	100.0	100.0
MMACHC	100.0	100.0
POMGNT1	100.0	100.0
STIL	100.0	100.0
ORC1	100.0	100.0
PARS2	100.0	100.0
DHCR24	100.0	100.0
NFIA	97.3	100.0
DOCK7	99.1	100.0

Gennaam	CreV4 (15X)	SSv7 (15X)
ALG6	98.9	100.0
ACADM	99.3	100.0
PIGK	100.0	100.0
PRKACB	91.2	99.9
HS2ST1	100.0	100.0
DPYD	96.1	100.0
SLC35A3	100.0	100.0